

Seminaarin raporttimalli: käsikirjoitus

Hannu Toivonen
Hannu.Toivonen@cs.helsinki.fi

Tiedon louhinta biomolekyyliaineistoista
Helsingin yliopisto, tietojenkäsittelytieteen laitos
Raportti C-2003-??, s. ??-??, marraskuu 2003

Tiivistelmä

Tämä on raporttimalli seminaarin käsikirjoituksia varten. (Erona lopulliseen versioon on lähinnä riviväli sekä myöhemmin täsmentyvät tarkat julkaisutiedot.) Tätä \LaTeX -tiedostoa voi halutessaan käyttää myös raportin pohjana. Sopiva tiivistelmän mitta on n. 150–200 sanaa.

1 Ensimmäinen luku

Tämä on luvun ensimmäinen kappale, ja tämän voi jättää sisentämättä. Viitteet merkitään lyhyesti esimerkiksi tähän tapaan [JD88, Hui78, CKPT92, EC02]. Seminaarin muihin raporteihin voi tarvittaessa viitata näin [Mal03].

Tämä on luvun toinen kappale, ja tämän ensimmäinen rivi on sisennetty. Kappaleiden väliin ei jätetä tyhjää.

1.1 Aliluku

Luvut numeroidaan ja kirjoitetaan esimerkin mukaan lihavoidulla ja suuremmalla kirjaimella.

Sekalaisia ohjeita:

- fontti: 12 pt times roman tai vastaava, riviväli 1.5
- reunamarginaalit: 2.5 cm vasemmalla ja oikealla
- ylämarginaali 2.5 cm, alamarginaali 3 cm
- otsikko, tekijä ja seminaarin tiedot oheisen mallin mukaisesti

- sivunumero alas keskelle alamarginaaliin

Raportin sopiva mitta on n. 10–15 sivua. Raportin kieli on suomi (ellei muusta sovita hyvin perustelluista syistä).

Viitteet

- [CKPT92] Douglass R. Cutting, David Karger, Jan Pedersen, and John W. Tukey. Scatter/gather: A cluster-based approach to browsing large document collections. In *Proceedings of the 15th Annual International ACM/SIGIR Conference*, pages 318 – 329, Copenhagen, Denmark, June 1992.
- [EC02] Vladimir Estivill-Castro. Why so many clustering algorithms – a position paper. *SIGKDD Explorations*, 4(1):65 – 75, June 2002.
- [Hui78] D. H. Huizinga. A natural or mode seeking cluster analysis algorithm. Technical Report 78-1, Behavioral Research Institute, 2305 Canyon Blvd., Boulder, Colorado 80302, USA, 1978.
- [JD88] A. K. Jain and R. C. Dubes. *Algorithms for Clustering Data*. Prentice-Hall, Englewood Cliffs, NJ, 1988.
- [Mal03] Mikko Mallikas. Geneettinen algoritmi genomin analyysiin. Teoksessa *Tiedon louhinta biomolekyyliaineistoista*, Raportti C-2003-??, Helsingin yliopisto, tietojenkäsittelytieteen laitos, marraskuu 2003.